

<<非典型肺炎>>

图书基本信息

书名：<<非典型肺炎>>

13位ISBN编号：9787533134631

10位ISBN编号：753313463X

出版时间：2003-6

出版时间：山东科学技术出版社

作者：印象初等编

页数：256

字数：365000

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<非典型肺炎>>

内容概要

本书依据Genbank的数据，将非典型肺炎SARS冠状病毒基因全序我对比后认为，目前全世界为18变种：即多伦多2NC (Tor2NC) = 多伦多 (Tor2AY)，台湾1 (TW1)，新加坡2679 (Sin2679)，新加坡2677 (Sin2677)，新加坡2774 (Sin2774)，新加坡2500 (Sin2500)，新加坡2748 (Sin2748)，香港中大-su10 (CUHK-w1)，法兰克福 (Frankfurt)，乌尔巴尼 (Urbani)，香港大学 (UHK)，香港中大-W1 (CUHK-w1)，北京1号 (BJ01)，北京2号 (BJ02)，北京3号 (BJ03)，北京4号 (BJ04)，浙江01 (ZJ01) 和广州1号 (ZJ01)，并列出了它们的亲缘关系，非典型肺炎SARS冠状病毒基因全序列可能有1987bp, 各变种实有数为19705-29757bp，丢失数为30-80bp，丢失的位置也不同，其原因尚不明。各变种间差异数为：1-72，说明变异明显有异，可能非同一起来源。书中18变种的基因全序列对比数据可用来鉴定已知种类和新变种。

<<非典型肺炎>>

作者简介

印象初，昆虫学家。

江苏省海门市人。

1958年毕业于山东农学院植物保护系，现任中国科学院西北高原生物研究所研究员。

河北大学生命科学学院教授。

山东农业大学植保学院教授。

1995年当选为中国科学院院士。

<<非典型肺炎>>

书籍目录

1. 18 个变种病毒基因全序列的数据来源 2. 方法和初步结果 3. 18个变种病毒基因全序列比较 4. 参考文献和模拟变种基因全序列的数据

<<非典型肺炎>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>